

ANÁLISIS Y REVISIÓN INTEGRATIVA DE LAS POBLACIONES DE CTENOMYS OSVALDOREIGI (CONTRERAS 1995) (RODENTIA: CTENOMYIDAE) DE LAS SIERRAS GRANDES DE CÓRDOBA, ARGENTINA



Rossi, E. ¹, González-Iltig, R.E. ^{1,2}, Torres, R. ^{1,3}

1. Instituto de Diversidad y Ecología Animal (IDEA-CONICET/UNC). 2. Cátedra de Genética de Poblaciones y Evolución, Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Universidad Nacional de Córdoba. 3. Museo de Zoología, Universidad Nacional de Córdoba (MZUC, FCEFyN, UNC).

raulgonzalezittig@yahoo.com.ar y enzo.rossi@mi.unc.edu.ar



INTRODUCCIÓN

- Actualmente se reconocen seis especies del género *Ctenomys* para la provincia de Córdoba, Argentina: *C. bergi*, *C. "rosendopascuali"*, *C. pundti*, *C. azarae*, *C. osvaldoreigi* y *C. heniacamiare*.
- Dos especies actuales, *C. osvaldoreigi* y *C. heniacamiare* y una fósil *C. viarapaensis* son señaladas para ambientes montañosos de las Sierras Grandes de Córdoba.
- En particular *C. osvaldoreigi* Contreras 1995 es exclusivo de los pastizales de altura del piso superior (>1700 msnm) de esta formación y es considerada un endemismo para la provincia.

Con el propósito de evaluar la variabilidad entre diferentes poblaciones se realizaron muestreos a lo largo de las Sierras Grandes, y se hicieron análisis morfológicos y genéticos para esclarecer las relaciones entre las mismas.

MATERIALES Y MÉTODOS

- Se realizaron análisis morfológicos cuantitativos por medio de estadística multivariada, sobre individuos colectados a campo y en ejemplares alojados en las siguientes colecciones científicas: Museo Argentino de Ciencias Naturales "Bernardino Rivadavia", Colección de la Universidad Nacional de Río Cuarto (CUNRC) y Colección de mamíferos de la Fundación Félix de Azara.
- Se llevaron a cabo reconstrucciones filogenéticas en base al gen mitocondrial *Cyt-b* por medio de métodos probabilísticos (máxima verosimilitud e inferencia bayesiana) y de máxima parsimonia.

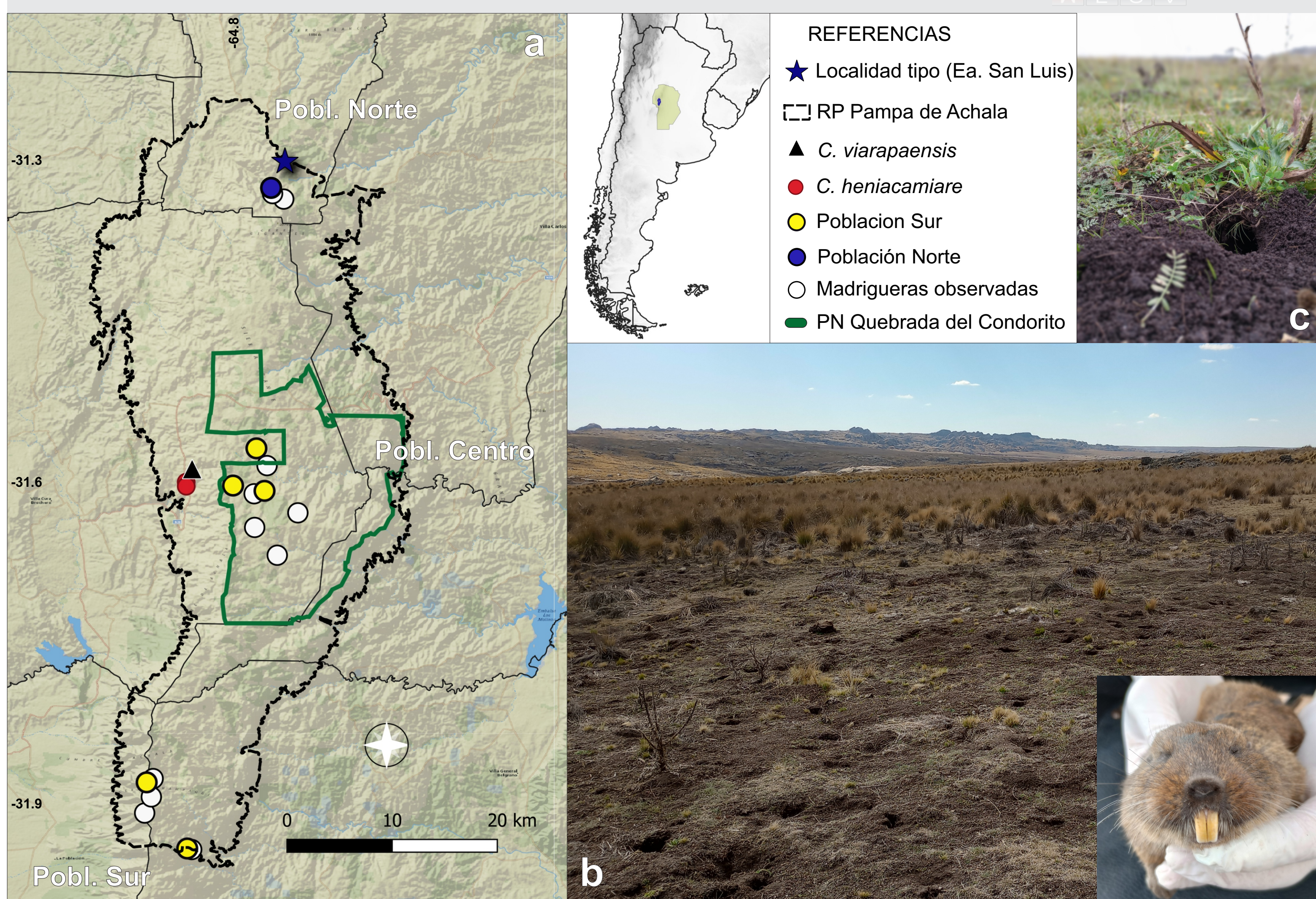


Fig. 1. a) Área de estudio en el piso superior de las Sierras Grandes de Córdoba, Argentina. b) madrigueras activas sobre el terreno. c) detalle del exterior de una madriguera de *C. osvaldoreigi*.

RESULTADOS

- Se observaron diferencias morfológicas y genéticas entre las poblaciones de *C. osvaldoreigi* de la localidad tipo y cercanías en el norte de la distribución, y las demás poblaciones del centro y sur de la distribución.

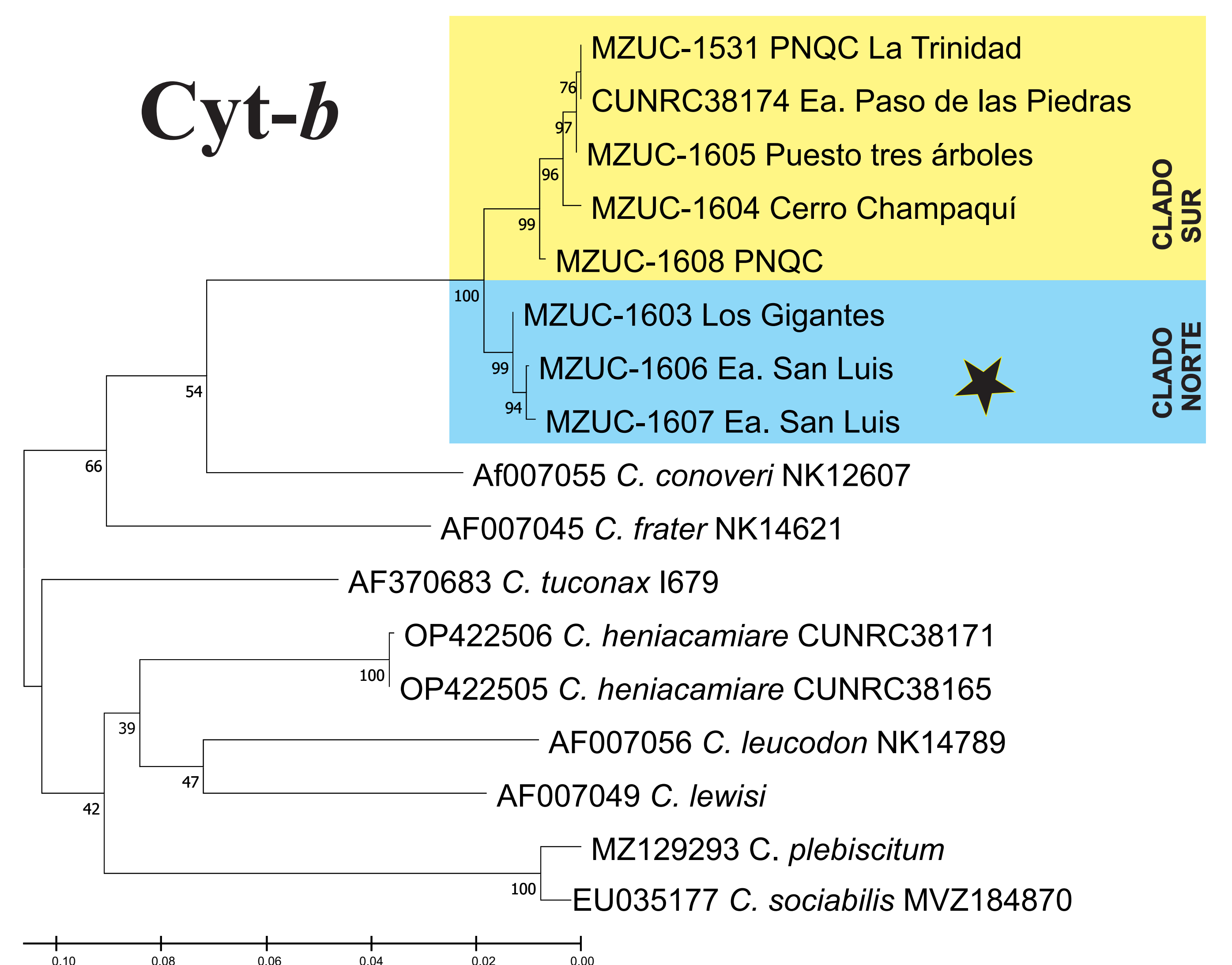


Fig. 2. Reconstrucción filogenética realizada por medio del método de máxima verosimilitud sobre el gen mitocondrial *Cyt-b*. En las poblaciones estudiadas asignadas como *C. osvaldoreigi* se pueden distinguir dos clados diferenciados, representados como clado norte y sur, respectivamente (la estrella simboliza la localidad tipo).

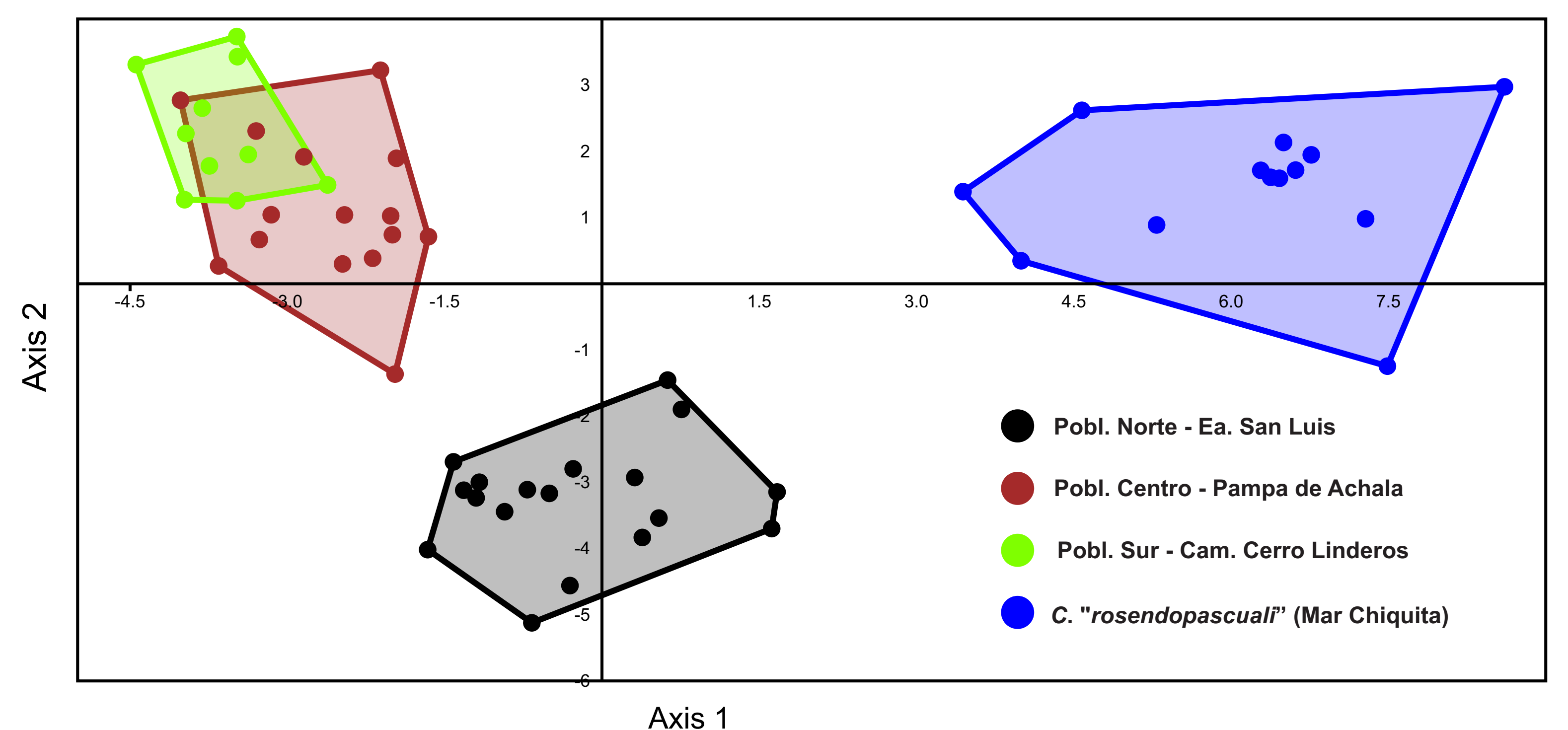


Fig. 3. Valores transformados log10 de los primeros dos ejes canónicos (CV) extraídos del análisis de función discriminante sobre individuos correspondientes a las tres áreas geográficas estudiadas de *C. osvaldoreigi*, y *C. "rosendopascuali"* del área de influencia de la laguna Mar Chiquita, Córdoba.

CONCLUSIÓN

- Se considera necesario reconsiderar el estatus específico de las poblaciones correspondientes a las zonas centro y sur de su área de distribución.
- Son necesarios nuevos relevamientos y análisis para definir de manera más precisa la identidad de las poblaciones de *Ctenomys* del clado sur del piso superior de las Sierras Grandes.

